

業務仕様書

1. 件名 ロングリード型次世代シーケンサー解析業務
2. 業務目的 本業務はスズキ目魚類の全ゲノム解析を行うため、長鎖解読が可能でGC含量の影響を受けないPacBio Sequelによる塩基配列データの取得を行うことを目的とする。
3. 業務場所 請負業者指定場所
4. 履行期限 平成31年3月15日
5. 数量 スズキ目魚類① 1サンプル
(凍結筋肉サンプル、ドライアイス送付)
スズキ目魚類② 1サンプル (DNA サンプル)
6. 納品物 作業報告書2部 (スズキ目魚類①と②で1部ずつ)
データ統計の結果や塩基配列データを含むHDD2個 (スズキ目魚類①と②で1個ずつ)
7. 業務内容
【スズキ目魚類①】
 - (1) 送付する筋肉凍結サンプル (心臓、5-10g程度) から高分子DNAを抽出し品質検査を行うこと。品質検査の結果、DNAの品質に問題があった場合は、該当の筋肉凍結サンプルを再送付する。サンプル送付にかかる費用は請負業者が負担すること。
 - (2) 抽出したDNAの品質に問題見られなかった場合、PacBio Sequelでシーケンシングするためのライブラリー構築およびシーケンシング解析を行うこと。
 - (3) シーケンシング反応後にベースコールを行ったリードデータのうち低品質のデータを除去すること。
 - (4) アダプタ配列部位前後でデータを分離したサブリードについて、総データ量50Gb以上を取得すること。
 - (5) 解析場所を明記した作業報告書一式およびデータ統計の結果や塩基配列データをHDDにて納品すること。

【スズキ目魚類②】

- (1) 送付する DNA サンプル (50 μ g 程度) の品質検査を行うこと。品質検査の結果に問題があった場合は、DNA サンプルを再送付する。サンプル送付にかかる費用は請負業者が負担すること。
- (2) DNA の品質に問題見られなかった場合、PacBio Sequel でシーケンシングするためのライブラリー構築およびシーケンシング解析を行うこと。
- (3) シーケンシング反応後にベースコールを行ったリードデータのうち低品質のデータを除去すること。
- (4) アダプタ配列部位前後でデータを分離したサブリードについて、総データ量 40Gb 以上を取得すること。
- (5) 解析場所を明記した作業報告書一式およびデータ統計の結果や塩基配列データを HDD にて納品すること。

8. その他

- (1) 納品物は、データが揃ったものから納品すること。
- (2) 本委託業務の履行により直接又は間接に知り得た個人情報及び研究データを第三者に漏らしてはならない。契約期間満了後又は契約解除後も同様とする。
- (3) 本委託業務において利用する個人情報及び研究データについて、本委託業務以外の目的で利用してはならない。また、無断で第三者へ提供してはならない。
- (4) 詳細については担当職員の指示に従うこと。